



Ihre persönlichen Laborwerte verstehen

Dr.Daniela Voskova 13.1.2020







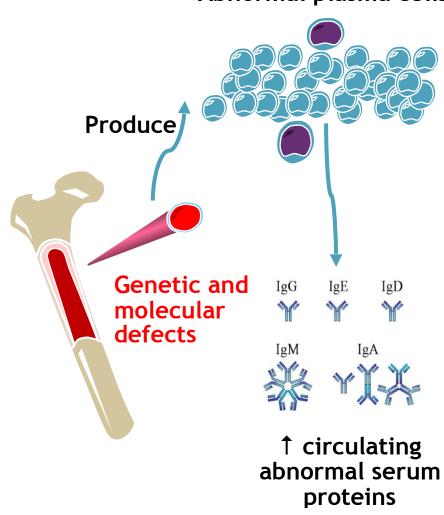






Abnormal plasma cells

- bösartige Erkrankung der Plasmazellen
- medianes Alter: 69 Jahre
- Risikofaktoren: fortgeschrittenes Alter, Rasse, Umwelt- und genetische Faktoren
- 17% brauchen im Leben keine Therapie



Kepler Universitäts Klinikum

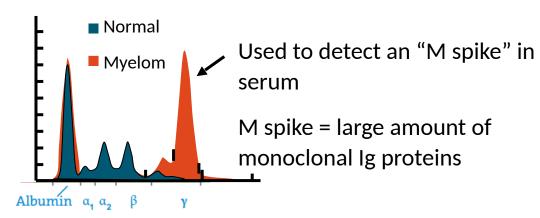
Diagnostisches workup

- Serum- und Harndiagnostik
 - Elektrophorese, vom Serumprotein und Harnprotein, Leberfunktionsparameter, Nierenfunktionsparameter, Elektrolyte, Beta 2 Mikroglobulin, Blutbild inklusive Differentialblutbild, Ratio der leichten Kappa/Lambda Ketten im Serum, Serum and Harn Immunfixation
- Knochenmarkuntersuchung:
 - Zytologie, Durchflußzytometrie und Histologie
 - FISH, Zytogenetik, "next generation sequencing"
- Bildgebung:
 - MRI/CT vom Skelett, PET-CT

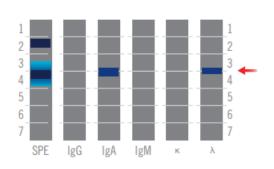


Diagnostische tools: M-Protein und freie Leichtketten

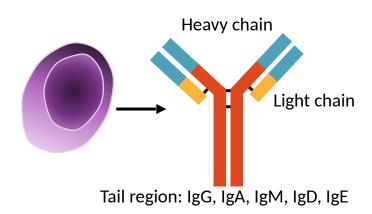
Serum Protein Electrophorese



Serum Immunofixation

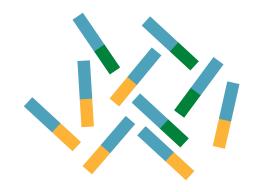


Serum Free Light Chain Assays



"Clonal" plasma cells all make the same (monoclonal) Ig protein and also produce extra light chains that do not have a heavy chain partner to which to bind, causing "free" light chains

FLC Ratio: Kappa/Lambda





Diagnose multiples Myelom

MGUS

- M Protein < 3 g/dL
- klonalePlasmazellen imKM < 10%
- keine Organschäden

Smoldering Myeloma

- M protein ≥ 3 g/dL (Serum) oder ≥ 500 mg/24 hrs (Harn)
- klonahe
 Plasmazellen im
 KM ≥ 10% to 60%
- keine Organschäden
- Risiko der Progression in MM 73% in 15 Jahren

aktives oder symptomatisches Multiples Myelom

- vorliegende proliferative Erkrankung der Plasmazellen
- UND ≥ 1 SLiM-CRAB* Kriterien

*S: ≥ 60% klonaler Plasmazellen im Knochenmark

Li: Serum Ratio der freien Leichtketten ≥ 100 (bei Kappa) or ≤ .01 (bei Lambda)

M: MRI vom Skelett > 1 Läsion (> 5 mm)

C: Hypercalcämie (> 2,6 mmol/l)

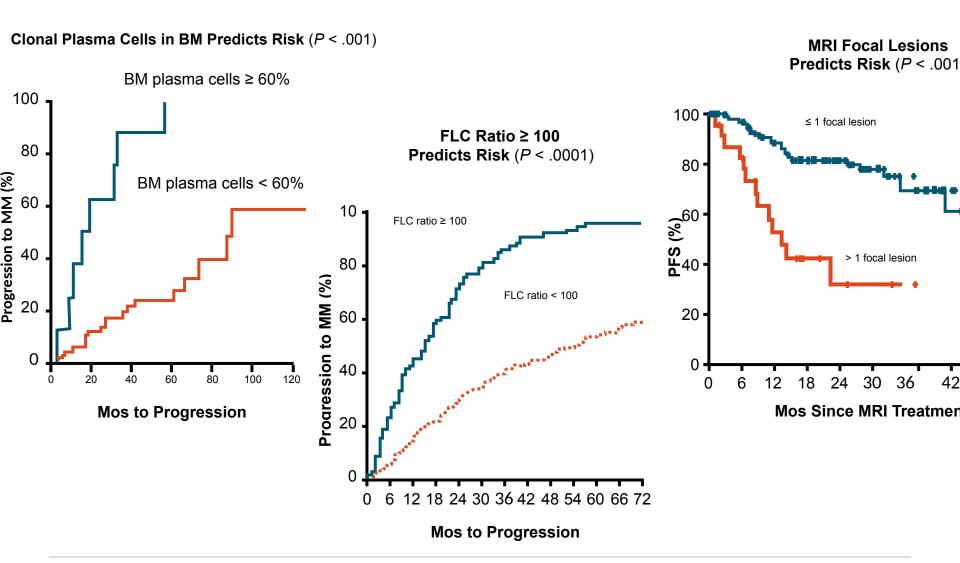
R: Niereninsuffizienz (CrCl < 40 mL/min oder serum creatinine Kreation im Serum

A: Anämie (Hb < 10 g/dL or 2 g/dL < normal)

B: Knochenbefall (≥ 1 ostpolitische Läsion MRI/ PET-CT)

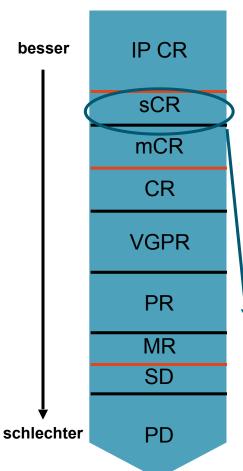


Biomarker als Prädiktoren für Progression



Monitoring ist essentiel: IMWG Kriterien für das Kepler Universitäts **Ansprechen**





Category	Response Criteria
sCR	Normal FLC ratio; keine klonale Plasmazellen
CR	Negative IFX and < 5% Plasmazellen im KM
VGPR	Positive IFX and negative Serumelektrophorese; ≥ 90% Reduktion des Harnproteins; M-Protein im Harn < 100 mg/24 Stunden
PR	≥ 50% Reduktion des M-Proteins im Serum und ≥ 90% Reduktion des 24h M-Proteins im Harn
SD	keine Kriterien für CR, VGPR, PR, oder PD erfüllt

- IP CR: sCR AND BM negative by next gen flow (10-6)
- sCR: CR AND normal FLC ratio, BM negative by flow, 2 measures
- mCR: CR AND negative PCR (10-5)
- CR: negative IFX; < 5% PC in BM; 2 measures



- Differentialblutbild:
 - Neutrophile=Subpopulation der weißen Blutkörperchen im Kampf gegen die bakteriellen Infektionen
 - Normwert über 2G/l, für die Chemotherapie mindestens 1,5G/l; hohe Infektionsgefahr, wenn Neutrophile unter 1 G/l



- eGFR Nierenfiltrationsrate_spiegelt die Nierenausscheidungsfunktion nieder-wird vom Plasmakonzentration von Kreatitin nach einer Formel berechnet;
- Normwerte 90-120ml/min

Kreatinin-Clearance = (ml/min)	(140-Lebensjahre) x kg Körpergewicht	oder	(140-Lebensjahre) x kg Körpergewicht
	72 x Serum-Kreatinin (in mg/dl)		0,82 x Serum-Kreatinin (in µmol/l)
Wichtig: Bei Frauen wird der Wei	rt nochmals mit 0,85 multipliziert		

Zur Berechnung der GFR nach der gekürzten MDRD-Formel wird nicht einmal die Angabe des Körpergewichts benötigt.

```
GFR (ml/min/1,73 m<sup>2</sup>) = 
186 x (S-Kreatinin)<sup>-1,154</sup> x (Alter)<sup>-0,203</sup> x 0,742 (F)
```



- genauere Messung: Kreatinin Clearence (Kreatininkonzentration im Harn x Harnvolumen/ Kreatininkonzentration im Blut x Zeit); abhängig von Körpermasse=wird auf die Körperoberfläche umgerechnet; Normwerte Männer 90-160ml/minx1,73m2; Frauen 60-139ml/minx1,73m2
- BUN (blood urea nitrogen) Konzentration von Harnstoff im Blut
 - 90% über Niere ausgeschieden
 - Normwerte: 6-25mg/dl
 - bei eingeschränkter Nierenfunktion Anstieg BUN



- NT-pro-BNP ist ein Prohormonfragment aus der Gruppe der natriuretischen Peptide. Das sind Eiweißstoffe (Peptide), die im Herzen gebildet werden und im Körper als Hormone wirken. Natriuretische Hormone wirken auf die Nierenfunktion, indem sie die Nieren zur Flüssigkeitsausscheidung anregen
- Das Herz schüttet diese Hormone insbesondere dann vermehrt ins Blut aus, wenn für das Herz offenbar zu viel Flüssigkeit im Körper bzw. im Blutkreislauf vorhanden zu sein scheint. Dieses scheinbare Zuviel an Flüssigkeit führt zu einer Dehnung der Herzwand, und dieser Dehnungsreiz der Herzwand führt wiederum zur Ausschüttung der natriuretischen Hormone.

Normwert <125ng/L



- Knochendichte Knochendensitometrie
- 2 Stellen: Wirbelsäule, Hüfte
- T-Score: wie stark die gemessene KD von KD junger gesunder Erwachsenen abweicht (g/cm2)
 - T-Score höher als -1: normale Knochendichte
 - T-Score -1 bis -2,5:Osteopenie
 - T-Score unter -2,5: Osteoporose
- weiter Risikofaktoren: Alter, Geschlecht



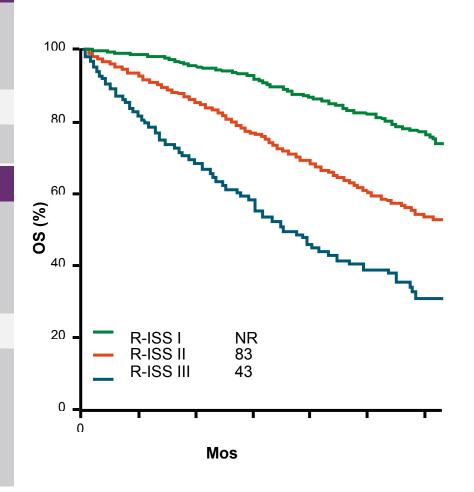
International (Revidiertes) Scoring System

ISS Definition

- Serum albumin ≥ 3.5 g/dL
- AND
 - β_2 -M < 3.5 mg/L
- II Not stage I or III
- III
 β_2 -M ≥ 5.5 mg/L

R-ISS Definition

- ISS stage I
- AND
- Normal LDH
- No t(4;14), t(14;16), or del(17p)
- II Not stage I or III
 - ISS stage III
 - AND
- III Serum LDH > ULN
 - OR
 - With t(4;14), t(14;16), or del(17p)



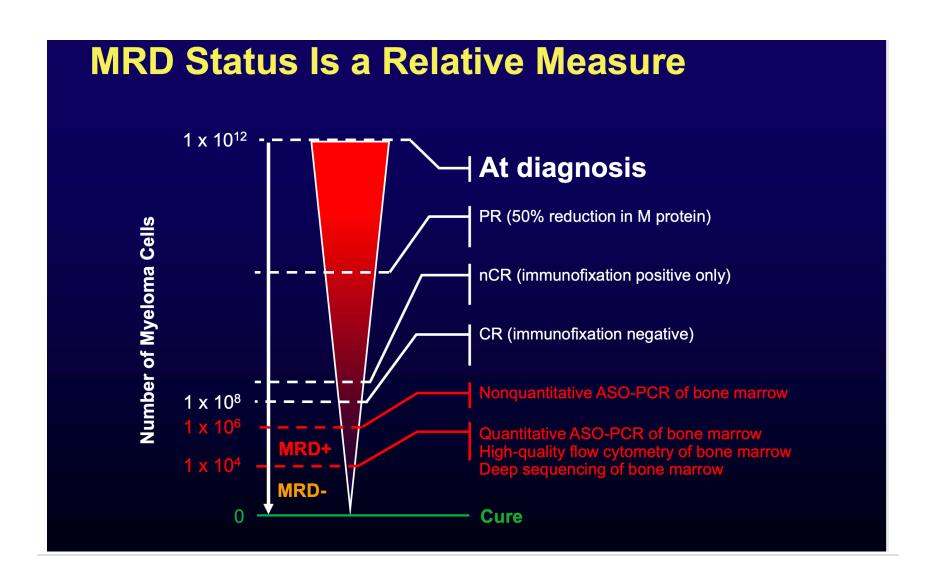


Multiples Myelom: Risikofaktoren

	Hochrisiko	Standardrisiko	
LDH	> ULN	< ULN	
Zytogenetik nach Palumbo et al. 2015	t(4;14), t(14;16), del(17p)	alle anderen	
Zytogenetik nach Sonneveld et al. 2016	t(4;14), t(14;16), del(17p), t(14;20), 1q Zugewinn	alle anderen, inklusive t(11;14), t(6;14)	

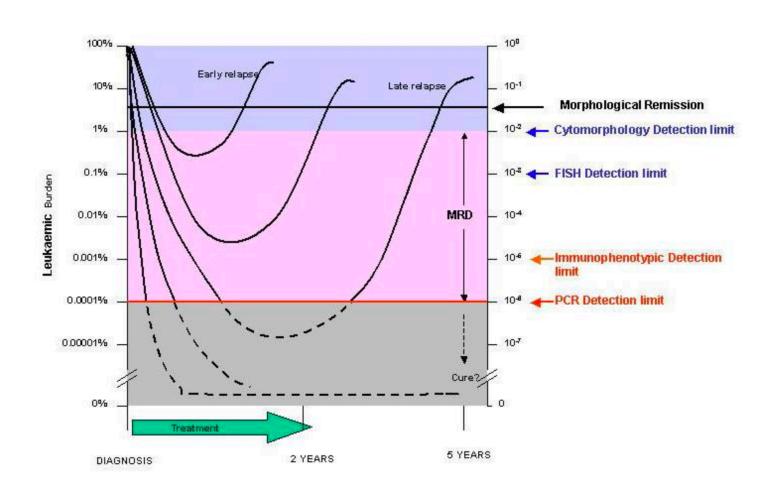


MRD und multiples Myelom





MRD und multiples Myelom





MRD und multiples Myelom

- moderne Durchflußzytometrie und/oder Next-Generation Sequencing ermöglichen die Detektive 1 residuellen Plasmazelle unter 106 Knochenmarkzellen (Kumar et al. 2016, Munshi et al. 2017, Flores-Montero et al. 2017, Kumar & Rajkumar 2018)
- Bildgebende Verfahren können hinzugezogen werden
- Die MRD-Negativität ist dabei assoziiert mit einem längeren Überleben (PFS und OS)(Munshi et al. 2017, Lahuerta et al. 2017)
- Trotz der prognostischen Bedeutung hat die MRD-Diagnostik bei dem multiplen Myelom bislang keine klinische Relevanz – die Verwendung des MRD-Nachweises zur Therapiesteuerung wird diskutiert (Kumar & Rajkumar 2018).



Wie soll MRD gemessen werden?

Flow Cytometry

Defined: absence of clonal plasma cells in bone marrow aspirate using next-gen flow cytometry

Sensitivity: 10⁻⁴ to 10⁻⁶

Next generation sequencing

- Defined: absence of clonal plasma cells in BM aspirate with < 2 identical DNA sequence reads
- Sensitivity: 10-4 to 10-6

Imaging

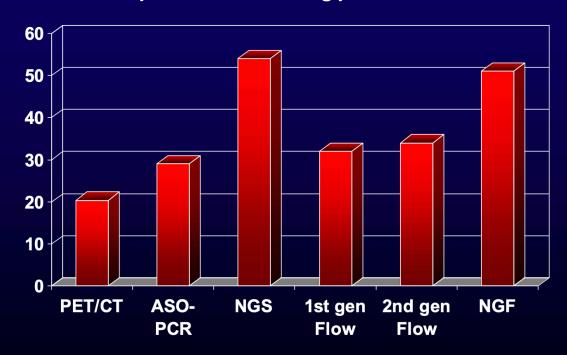
- Defined: disappearance of areas of tracer uptake at baseline PET/ CT or decrease to < normal surrounding tissue
- Sensitivity: high (?)

 BUT there are currently no data on altering length of induction therapy, need for ASCT and/or consolidation, or maintenance based on MRD results



Clinical significance of MRD over conventional CR

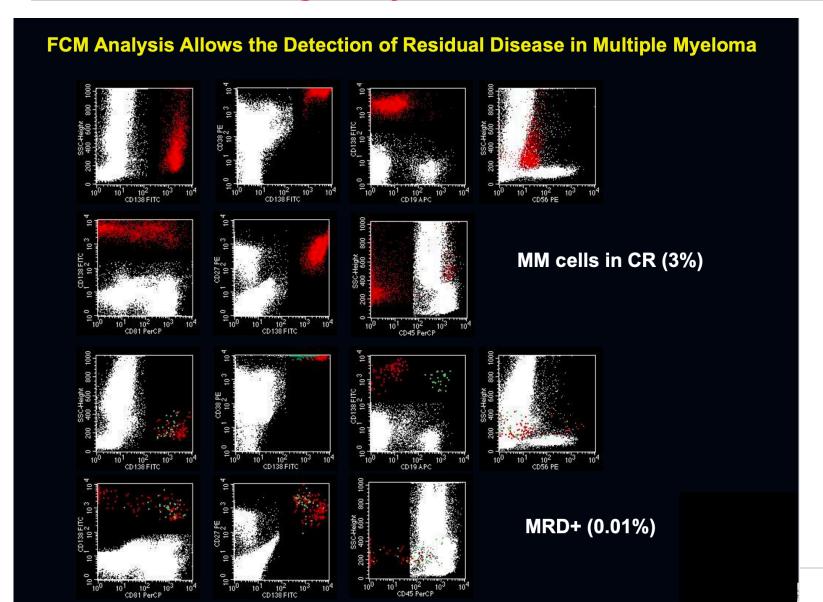
MRD-positive rates among patients in CR



Zamagni et al, Blood 2011;118(23);5989-95, Rawstron AC, et al, Blood 2002;100(9); 3095-3100, Pavla B et al, Blood 2008; 15;112(10);4017-23 Pavla B et al, J Clin Oncol; 2011; 29(12);1627-33, Pavla B et al, Blood 2012; 119(3); 687-91,Rawstron A. et al, J Clin Oncol; 2013;31(20); 2540-7 Pavia B et al, ASH 2014; abstract 3390

MRD - Durchgflußzytometrie







Panel-Sequenzierung bei multiplem Myelom

77 Gen-Panel

ACTG1	CSNK2A1	IKZF3	PRDM1	TNFRSF13B
ATM	CUL4A	IL6	PSMA1	TNFRSF21
B2M	CUL4B	IL6R	PSMB5	TNFSF9
BAGE2	CXCR4	IL6ST	PSMB8	TP53
BIRC2	CYLD	IRF4	PSMB9	TRAF2
BIRC3	DIS3	JAK2	PSMD1	TRAF3
BRAF	EGFR	KDM6A	PTPN11	TRAF3IP1
CARD11	EGR1	KRAS	RASA2	WHSC1
CCNB1	FAM46C	MAF	RB1	XBP1
CCND1	FGFR3	MAFB	RIPK1	
CCNT1	GRB2	MAP3K14	RIPK4	
CDK4	IDH1	MAX	SHC1	
CDK7	IDH2	MYC	SP140	
CDKN1B	IDH3A	MYD88	SRF	
CDKN2A	IFNGR2	NFKBIB	STAT3	
CDKN2C	IGF1R	NR3C1	TGFBR2	
CRBN	IKZF1	NRAS	TLR4	

- 76% der MM Patienten mind. 1 Mutation
- nur 7 Gene mit >5%
 Mutationsfrequenz